

在 SaberRD 如何通过批处理模式运行多个 Experiments?

在 SaberRD 中，您可以使用以下命令从命令行批量运行 Experiments

```
runSaberBatch.exe -productSuite <suite> <batchRunFile>
```

这里：

- <suite> 写 SaberRD.
- <batchRunFile> 是 experiment 生成的文件。它的扩展名必须是: .ai_batch。

在 SaberRD 中创建并保存 experiment 时会创建此文件。它位于 design 目录的根目录中。必须将它放在该位置，才能由 runSaberBatch.exe 命令执行。文件的名称遵循约定：DesignName.ExperimentName.ai_batch。

下面的步骤展示了如何使用 SaberRD 中的 StartPage 设计示例，通过批处理脚本运行多个 experiment。

- 1) 安装 SaberRD StartPage 设计示例中的示例 Alternator_charging_system。您将看到如图 1 所示的示例原理图。

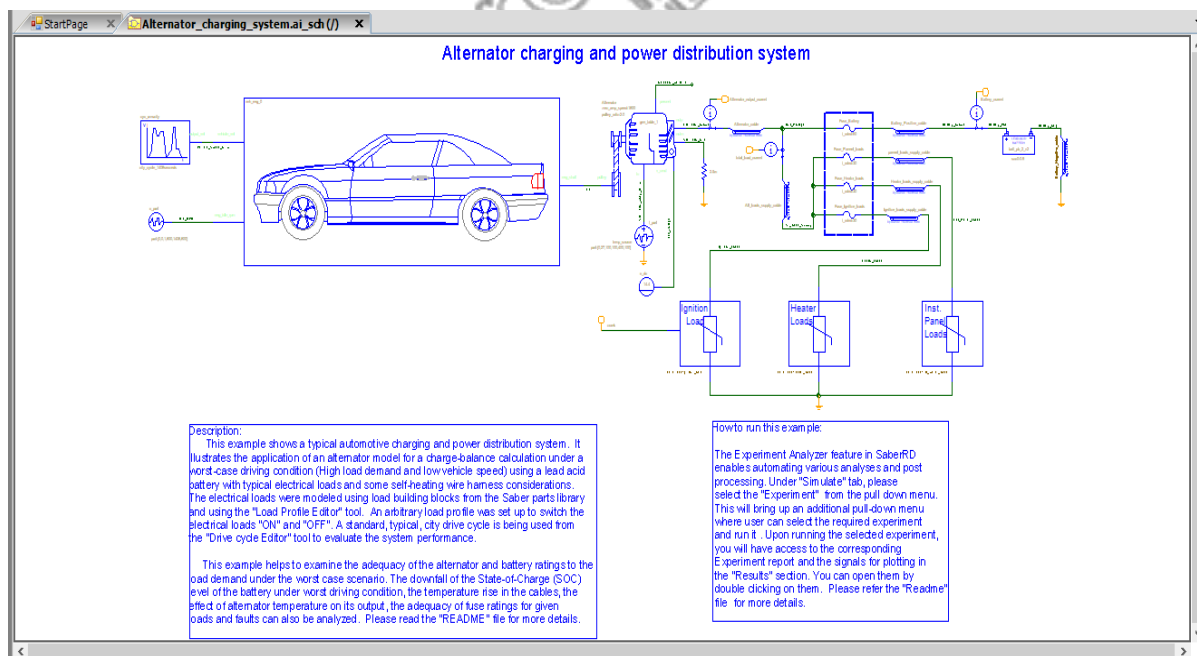


图 1 交流发电机充电系统示例

- 2) 这个例子有四个 Experiment。进入“experiment”选项卡，双击每个实验分别打开，然后单击“保存”创建各自的*.ai_batch 文件。

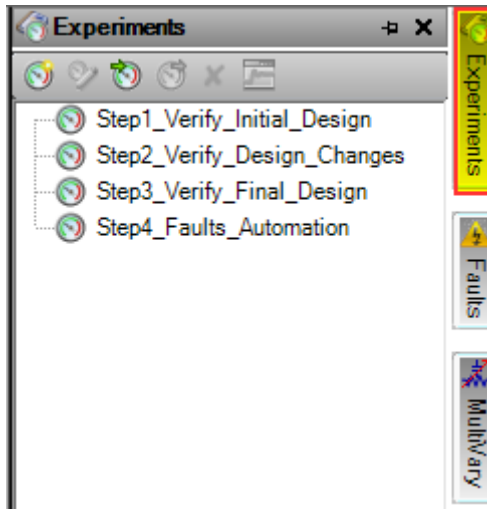


图 2 Experiments 列表

- 3) 打开 design example 文件夹可以查看新创建的批处理文件，如图 3 所示。(可选)

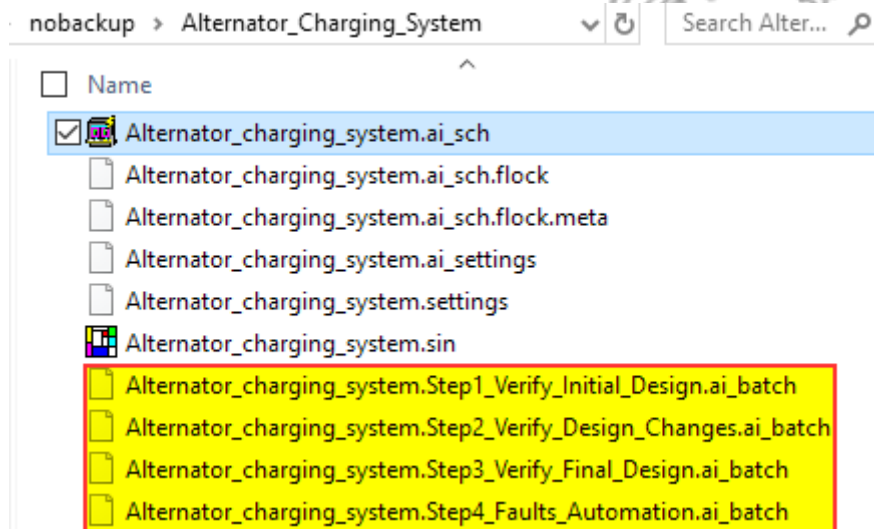


图 3 保存 Experiments 后设计文件夹里的.ai_batch 文件

- 4) 您可以从“Simulate”选项卡手动运行实验来查看结果(可选)。
- 5) 关闭设计: SaberRD> File > Close > Close Design. 。也可以直接关闭 SaberRD 应用程序。
- 6) 要批量运行多个 Experiments, 需要创建一个*.bat 文件, 如图 4 所示。这里, 首先设置 PATH 变量来访问 Saber 安装位置。然后为按顺序运行的每个实验添加 runSaberBatch.exe 命令。然后保存该文件。

注意:您需要根据您的 Saber 安装和 PC 上的设计示例批处理文件给出正确的路径。

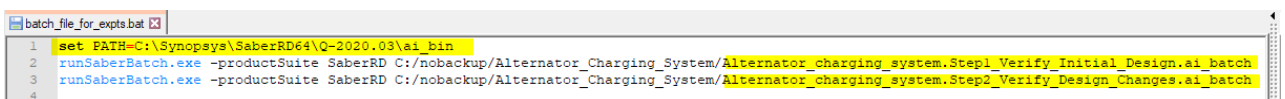


图 4 通过批处理运行多个 Experiments 的脚本示例

7) 双击创建的这个批处理文件 batch_file_for_expt.bat 以批处理模式执行 Experiments。或 Start > SaberRD x-xxxx.xx > Synopsys Command Prompt，然后执行批处理文件 batch_file_for_expt.bat。

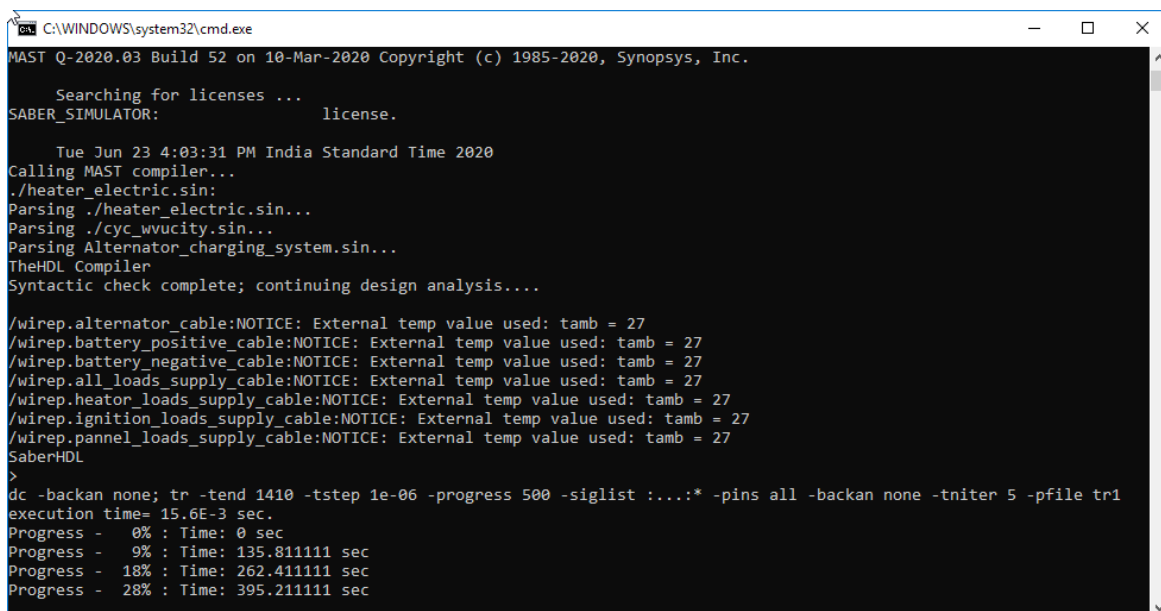


图 5 执行批处理文件的屏幕截图

8) 分析完成后，打开 SaberRD：File> Open> Open the design> alternator_charging_system.ai_dsn，查看 Experiments 结果：File> Open> Open Experiment Results

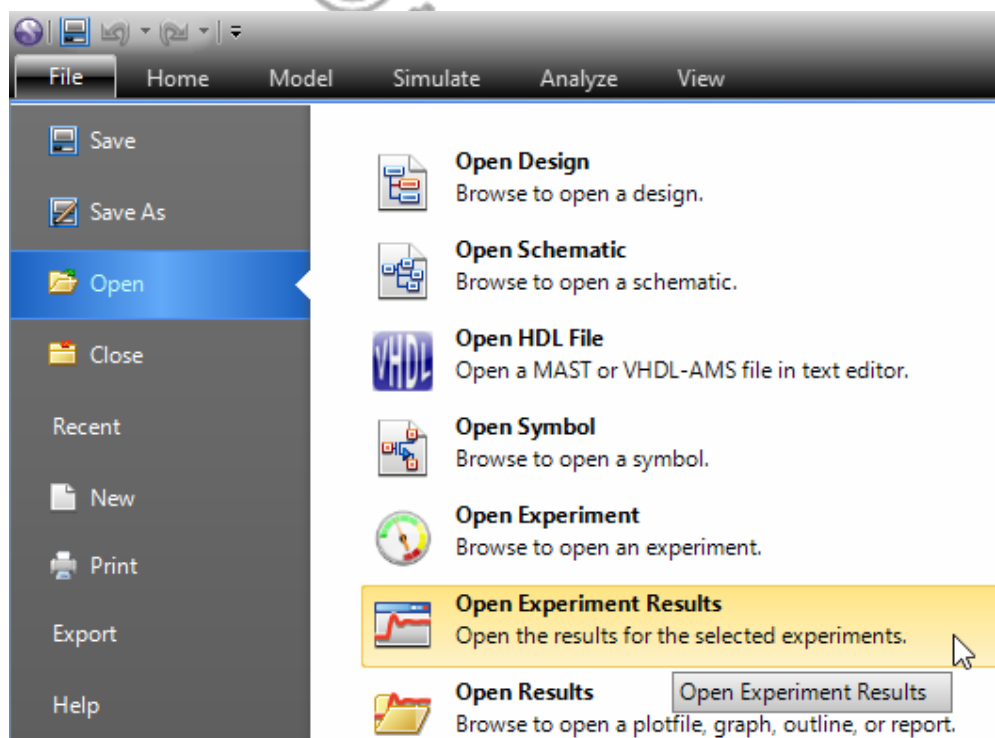


图 6 打开 Experiment 结果

9) 查看结果,。。

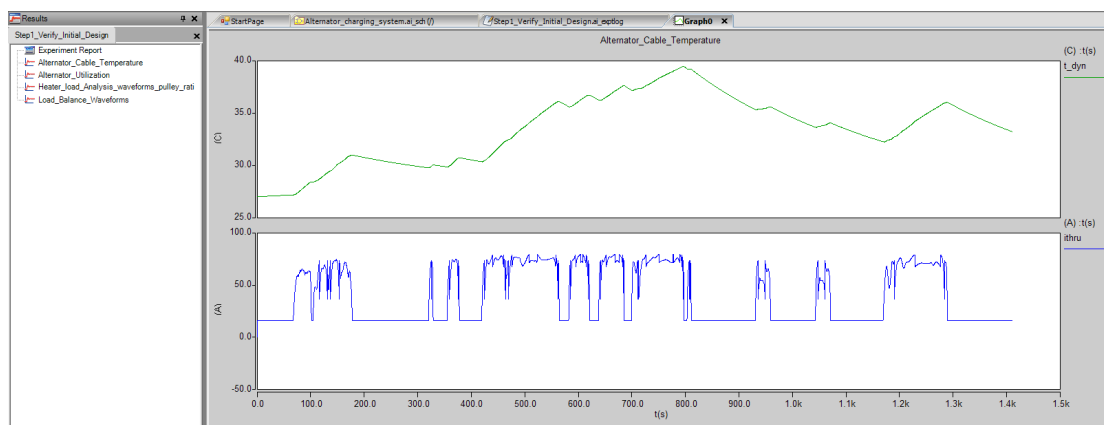


图 7 查看结果

